

Curriculum Vitae

FREDERIC BERTRAND

27 articles scientifiques
12 livres +1 édition de livre
4 logiciels
35 contributions à des conférences internationales
15 expériences d'expertise pour des entreprises

16, rue du Faubourg de Pierre
67000, STRASBOURG
France
+33 (0)368850230
FBERTRAN@MATH.UNISTRA.FR
20/01/1978

EXPERIENCE PROFESSIONNELLE

2016 - aujourd'hui **Prime d'Encadrement Doctoral et de Recherche**
2012 - 2016 **Prime d'Excellence Scientifique**
2011 - aujourd'hui **Membre élu du Conseil National des Universités, 26^{ème} section**
2008 - aujourd'hui **Université de Strasbourg/ UFR Mathématique-Informatique, Strasbourg, France**
Maître de Conférences
2006 - 2008 **Université de Strasbourg/ UFR Mathématique-Informatique, Strasbourg, France**
ATER

FORMATION

2018 **Habilitation à diriger des recherches, université de Strasbourg, Strasbourg, France**
2002 - 2007 **Université Louis Pasteur, Strasbourg, France**
Doctorat de Mathématiques Appliquées, spécialité Statistique
2002 **Agrégation de Mathématiques**
1999-2003 **École Normale Supérieure de Lyon, Lyon, France.**

DOMAINES D'EXPERTISE

Plans d'expériences, Modélisation appliquée : Modèles linéaires et linéaires généralisés, Développement d'Edgeworth, Moindres Carrés Partiels, Techniques de Bootstrap, Modèles de régression pénalisés et parcimonieux. Apprentissage statistique.

ENCADREMENT DOCTORAL

Encadrant de trois doctorants (tous les trois globalement à 80%, pour la partie mathématique 100%) et d'un chercheur post-doctoral (à 100%).

PUBLICATIONS RÉCENTES

J. Magnanensi, F. Bertrand, M. Maumy-Bertrand et N. Meyer.

A new universal resample stable bootstrap-based stopping criterion for PLS component construction.
Statistics and Computing, 27(3): 757-774 (2017).

R. Carapito, ..., F. Bertrand, ..., S. Bahram,

Matching for the non-conventional MHC-I MICA gene significantly reduces the incidence of acute and chronic GVHD.
Blood. 128(15) :1979-1986 (2016).

P. Bastien, F. Bertrand, N. Meyer, M. Maumy-Bertrand.

Deviance residuals based sparse PLS and sparse kernel PLS regression for censored data.
Bioinformatics, 31(3):397-404 (2015)

N. Jung, F. Bertrand, S. Bahram, L. Vallat et M. Maumy-Bertrand

Cascade: a R-package to study, predict and simulate the diusion of a signal through a temporal gene network.
Bioinformatics, 30(4): 571-573, (2014)

F. Bertrand, N. Meyer, M. Beau-Faller, K. El Bayed, N. Izzie-Jacques, M. Maumy-Bertrand.

Regression Bêta PLS. (French) [PLS Beta regression.],
J. SFdS, 154(3): 143-159 (2013)