
Sujet 6

• Brefs rappels sur la régression linéaire:

Lorsque $(X^{(1)}, \dots, X^{(p)})$ est un vecteur de covariables quantitatives, le modèle de régression linéaire correspondant à l'observation de $(Y, X^{(1)}, \dots, X^{(p)})$ s'écrit:

$$Y = \beta_0 + \sum_{k=1}^p \beta_k X^{(k)} + \varepsilon \quad (1)$$

où $\mathbb{E}[\varepsilon] = 0$, $\text{Var}(\varepsilon) < \infty$ et $\varepsilon \perp (X^{(1)}, \dots, X^{(p)})$.

Le modèle de régression linéaire est dit gaussien lorsqu'on rajoute l'hypothèse $\varepsilon \sim \mathcal{N}(0, \sigma^2)$.

Le modèle de régression linéaire est dit homoscedastique lorsqu'on rajoute l'hypothèse que la variance de l'erreur résiduelle est constante d'un individu à l'autre.

• Cas des covariables qualitatives (appelées aussi facteurs):

L'écriture (1) est générique. Il faut prendre garde au fait que l'on ne rentre en réalité sous cette forme **que** les variables quantitatives. Supposons ici que $X^{(1)}$ est ici une variable qualitative à J modalités que l'on peut encoder comme suit:

$$X^{(1)} = \begin{cases} 1 & \text{si } X^{(1)} \text{ prend la modalité n}^\circ 1, \\ \vdots & \vdots \\ J & \text{si } X^{(1)} \text{ prend la modalité n}^\circ J. \end{cases}$$

Si une modalité se dégage naturellement comme variable de référence, on prend soin de l'encoder avec 1 lorsqu'on utilise le logiciel R, qui prend la 1^{ère} modalité comme modalité de référence. Par exemple, considérons la covariable qui encode le statut d'un individu relatif au fait d'avoir des antécédents familiaux d'hypertension artérielle, on l'encode comme suit:

$$X^{(1)} = \begin{cases} 1 & \text{si l'individu n'a pas d'antécédents familiaux d'hypertension artérielle} \\ & \text{(modalité de référence),} \\ 2 & \text{dans le cas contraire.} \end{cases}$$

Lorsque $X^{(1)}$ est ici une variable qualitative à J modalités, l'équation (1) est modifiée comme suit. Ce n'est pas $X^{(1)}$ qui est incluse avec un coefficient multiplicateur dans l'équation (1) mais des indicatrices (*dummy variables*) avec autant de coefficients multiplicateurs. Inclure J indicatrices sans précaution particulière surparamètrerait le modèle et entraînerait un problème d'identifiabilité au sens où l'on n'aurait plus l'injectivité de $\beta \rightarrow \mathbb{E}_\beta[\mathbb{Y}|X] = \mathbb{X}.\beta$. Imposer la nullité d'un coefficient de sorte que l'on inclut seulement $(J - 1)$ indicatrices est une façon de rétablir l'identifiabilité du modèle. La modalité non-incluse dans l'équation sert alors de modalité de référence dans l'interprétation des coefficients. Le logiciel R prend par défaut la 1^{ère} modalité comme modalité de référence. Cela donne la nouvelle équation:

$$Y = \beta_0 + \beta_{1,2}I(X^{(1)} = 2) + \dots + \beta_{1,J}I(X^{(1)} = J) + \sum_{k=2}^p \beta_k X^{(k)} + \varepsilon.$$

Pour $j = 1, \dots, J$, le coefficient $\beta_{1,j}$ s'interprète alors comme l'effet sur la valeur moyenne de Y dû au niveau j de la variable $X^{(1)}$ par rapport à la valeur moyenne pour Y avec la modalité 1 de $X^{(k_0)}$, toutes les autres covariables étant fixées quelconques le temps de la comparaison. On parle d'effet différentiel.

Noter qu'il n'y a pas unicité de la manière de rétablir l'identifiabilité. Selon les logiciels, d'autres choix par défaut sont adoptés.

• **ANOVA(1) = analyse de la variance à un facteur présentant J modalités:**

Lorsque le modèle de régression inclut une seule covariable qualitative, on parle d'analyse de la variance à un facteur à J modalités. Supposons que l'on dispose d'un échantillon (Y_i, X_i) pour $i = 1, \dots, n$ où X_i représente un facteur à J modalités. L'équation du modèle de régression linéaire ou d'ANOVA(1) correspondant est alors:

$$Y_i = \beta_0 + \beta_2 I(X_i^{(1)} = 2) + \dots + \beta_J I(X_i^{(1)} = J) + \varepsilon_i, \quad i = 1, \dots, n.$$

Comme son nom ne l'indique pas, ce modèle permet de comparer les moyennes des J différents sous-groupes d'une population identifiés par les J modalités du facteur en question. Au lieu de numéroter les individus de 1 à n , on peut les renuméroter de manière équivalente pour indiquer la modalité exprimée par chacun. Notons $n_j \in \mathbb{N}^*$ le nombre d'individus exprimant la modalité

j du facteur en question de sorte que l'on a forcément $\sum_{j=1}^J n_j = n$. Notons $Y_{i,j}$ l'observation

réalisée sur le $i^{\text{ème}}$ individu présentant la $j^{\text{ème}}$ modalité du facteur $X^{(1)}$. Le modèle d'analyse de la variance à un facteur est souvent ré-écrit de la façon suivante:

$$Y_{i,j} = \mu + \alpha_j + \varepsilon_{i,j}, \quad \begin{cases} j = 1, \dots, J, \\ i = 1, \dots, n_j, \end{cases} \quad \text{avec } \alpha_1 = 0.$$

L'écriture matricielle de la forme $Y_{i,j} = \mu + \alpha_j + \varepsilon_{i,j}$ pour $j = 1, \dots, J$ et $i = 1, \dots, n_j$ avec $\alpha_1 = 0$ est

$$\begin{pmatrix} Y_{1,1} \\ \vdots \\ Y_{n_1,1} \\ Y_{1,2} \\ \vdots \\ Y_{n_2,2} \\ \vdots \\ Y_{1,J} \\ \vdots \\ Y_{n_J,J} \end{pmatrix} = \begin{pmatrix} 1 & 0 & \dots & \dots & 0 \\ \vdots & \vdots & \vdots & \vdots & \vdots \\ 1 & 0 & \dots & \dots & 0 \\ \hline 1 & 1 & 0 & \dots & 0 \\ \vdots & \vdots & \vdots & \vdots & \vdots \\ 1 & 1 & 0 & \dots & 0 \\ \hline \vdots & \vdots & \vdots & \vdots & \vdots \\ \hline 1 & \dots & \dots & 0 & 1 \\ \vdots & \vdots & \vdots & \vdots & \vdots \\ 1 & \dots & \dots & 0 & 1 \end{pmatrix} \begin{pmatrix} \mu \\ \alpha_2 \\ \vdots \\ \alpha_J \end{pmatrix} + \begin{pmatrix} \varepsilon_{1,1} \\ \vdots \\ \varepsilon_{n_1,1} \\ \varepsilon_{1,2} \\ \vdots \\ \varepsilon_{n_2,2} \\ \vdots \\ \varepsilon_{1,J} \\ \vdots \\ \varepsilon_{n_J,J} \end{pmatrix}$$

Lorsque $n_j = n_1$ pour tout $j = 2, \dots, J$, on dit que le *design* est équilibré. Dans le cas contraire, on dit que le *design* est déséquilibré.

• **Résidus du modèle de régression linéaire:**

Notons $\beta \in \mathbb{R}^{p+1}$ le vecteur des paramètres de régression à estimer dans le cadre d'un modèle de régression linéaire et $\hat{\beta}$ son estimateur. Afin d'effectuer des diagnostics sur l'ajustement du

modèle aux données, on utilise les résidus du modèle. On utilise souvent en pratique les résidus studentisés:

$$\widehat{\varepsilon}_i^{\text{stud}} := \frac{Y_i - \mathbb{X}_i \cdot \widehat{\beta}}{\sqrt{\widehat{\sigma}_{(-i)}^2 (1 - h_i)}}$$

en notant \mathbb{X}_i la $i^{\text{ème}}$ ligne de la matrice de *design* \mathbb{X} , h_i le $i^{\text{ème}}$ coefficient de la matrice des leviers $H = \mathbb{X} \cdot (\mathbb{X}^t \cdot \mathbb{X})^{-1} \cdot \mathbb{X}^t$ et $\widehat{\sigma}_{(-i)}^2$ est l'estimateur de la variance résiduelle σ^2 calculé sans l'individu i . Sous les hypothèses $(H_1) - (H_7)$ du cours, ces résidus suivent une loi de Student $T(n - p - 2)$ que l'on peut approximer par une loi $\mathcal{N}(0, 1)$ dès que n est assez grand devant p , ce qui est de toute façon souhaitable. Ces résidus sont calculés par le logiciel **R** au moyen de la fonction `rstudent`.

• **Exercice:**

Notons β le vecteur des paramètres de régression à estimer dans le cadre d'un modèle d'analyse de la variance à un facteur et $\widehat{\beta}$ son estimateur.

1. Proposer des simulations de Monte-Carlo permettant d'évaluer le biais empirique de $\widehat{\beta}$ et son écart-type estimé.
Le biais et l'écart-type estimés sont-ils sensibles à l'hypothèse de normalité? à l'hypothèse d'homoscédasticité? à la taille de l'échantillon? au fait que le *design* soit équilibré ou non? au nombre de coefficients du modèle?
2. Proposer des simulations de Monte-Carlo permettant d'illustrer la convergence asymptotique de $\widehat{\beta}$ vers β . La convergence est-elle sensible à l'hypothèse de normalité? à l'hypothèse d'homoscédasticité? au fait que le *design* soit équilibré ou non? au nombre de coefficients du modèle?
3. Le test de Anderson-Darling est un test de normalité. L'hypothèse nulle est H_0 : "adéquation à la loi normale" tandis que l'hypothèse alternative est H_1 : "non-adéquation à la loi normale". Ce test est implémenté dans le logiciel **R** au moyen de la fonction `ad.test` du package `nortest`.
Présenter ce test. Proposer des simulations de Monte-Carlo permettant d'évaluer l'erreur empirique de 1^{ère} espèce et la puissance empirique de ce test. Les résultats obtenus sont-ils sensibles à l'hypothèse d'homoscédasticité? à la taille de l'échantillon? au fait que le *design* soit équilibré ou non? au nombre de coefficients du modèle?